



## Информация за финансиран проект

<b>Наименование на конкурса:</b>
КОНКУРС ЗА ФИНАНСИРАНЕ НА ФУНДАМЕНТАЛНИ НАУЧНИ ИЗСЛЕДВАНИЯ - 2018
<b>Основна научна област или обществен приоритет:</b>
Медицински науки
<b>Входящ № на проект:</b>
H23/20
<b>Заглавие на проекта:</b>
Генотипиране и секвенционен анализ на човешки риновирусни щамове разпространени в България
<b>Базова организация:</b>
Национален център по заразни и паразитни болести
<b>Партньорски организации:</b>
няма
<b>Ръководител на научния колектив (академична длъжност, научна степен, име):</b>
Главен асистент, доктор по вирусология Ирина Любенова Георгиева
<b>Общ размер на отпуснатото финансиране:</b>
92 000 лв
<b>Разпределение на сумата по проекта между базовата организация и партньорите</b>
<b>Организация:</b>
НЦЗПБ – Базова организация
Сума: 92 000
<b>Организация: -</b>
Сума: -
<b>Организация: -</b>
Сума: -
<b>Организация: -</b>
Сума: -



### **Резюме на проекта:**

Острите респираторни заболявания са едни от най-масовите заболявания при човек и имат огромно социално-икономическо въздействие, причинявайки милиони парични загуби като преки разходи за здравните системи и пропуснати икономически ползи поради неоползотворени работни и учебни дни. Едни от най-честите вирусни патогени на горните дихателни пътища са човешките риновируси (RV, род *Enterovirus* на семейство *Picornaviridae*). Въпреки широкото си разпространение, риновирусните инфекции се считат основно за леки и самоограничаващи се, с малко медицинско значение. Напредването на методите за вирусна детекция очертава ролята на риновирусите в заболявания и на долния дихателен тракт, водещи до тежки и потенциално живото-застрашаващи състояния. В допълнение, при индивиди с предлежащо респираторно заболяване като хронична обструктивна белодробна болест, астма, хроничен бронхит и др. има повишен риск от развитие на тежки усложнения, свързани с риновирусна инфекция.

Риновирусните инфекции често остават недиагностицирани и малко е известно за RV типове, циркулиращи в България. Към момента информация за генетичните характеристики на риновирусите у нас няма.

Целта на настоящия проект е генотипиране и секвенционен анализ на риновируси, доказани в клинични материали на пациенти, получени в НРЛ „Грип и ОРЗ“, в рамките на Програмата за надзор на грип и острите респираторни заболявания в България. Предвижда се субтипирание на избрани проби, секвениране и филогенетичен анализ на получените секвенции. Ще бъдат използвани съвременни методи за молекулярно биологични изследвания на вирусите, като полимеразна верижна реакция с обратна транскрипция в реално време (*real-time RT PCR*), *semi-nested PCR*, секвениране по метода на *Sanger*, *multi sequence alignment* и филогенетичен анализ.

Реализацията на задачите, заложи в изследването ще спомогне за повишаване на знанията и квалификацията на учените, включени в колектива и ще утвърди позицията на Националния център по заразни и паразитни болести (НЦЗПБ) като високотехнологична организация. Получените резултати ще обогатят наличните литературни данни и ще допринесат за придобиване на нови такива за циркулиращите в страната ни генотипове риновируси и някои техни генетични особености.



## Членове на научния колектив

<i>Организации/участници<sup>1</sup></i>	<i>Бележка<sup>2</sup></i>
<b>Базова организация:</b>	
Национален център по заразни и паразитни болести	
<b>Ръководител на научния колектив</b>	
Главен асистент, доктор по вирусология Ирина Георгиева	ПД
<b>Участници:</b>	
Професор, доктор Нели Стоянова Корсун, д.м.н.	
Доцент, доктор Любомира Крумова Николаева-Гломб, д.м.	
Доцент, доктор Светла Георгиева Ангелова	
Силвия Емилова Волева, магистър биолог	ДО
Ася Петрова Стоянова, магистър биолог	ДО
Доктор Савина Огнянова Стоицова	ПД
<b>Партньорска организация:</b>	
-	
<b>Участници:</b>	
-	
<b>Партньорска организация:</b>	
-	
<b>Участници:</b>	
-	
<b>Партньорска организация:</b>	
-	
<b>Участници:</b>	
-	

Общ брой млад учен (МУ) .....

Общ брой постдокторант (ПД) .....

Общ брой докторанти (ДО) .....

Общ брой студенти (СТ) .....

<sup>1</sup> Отбележете академичната длъжност, научната степен, име и фамилия на всеки участник

<sup>2</sup> Отбележете дали участникът в колектива е млад учен (МУ), постдокторант (ПД), докторанти (ДО) или студенти (СТ), пенсионер (ПН) или учен от чужбина (УЧ) и съответната бройка.