

## Информация за проекта

<b>Номер и дата на договора</b>	КП-06-ДК1/8 от 29.03.2021
<b>Заглавие на проекта</b>	Роля на индивидуалните вирус / гостоприемник геномни характеристики за отговора към инфекция със SARS-CoV-2
<b>Тематично направление</b>	Биологични и биомедицински изследвания на SARS-CoV2, включително структурата и организацията на вируса, начина му на проникване в организма и клетките и механизми на вътреклетъчно предаване
<b>Начало на проекта</b>	29.03.2021
<b>Продължителност (месеци)</b>	24 месеца
<b>Базова организация</b>	Център по молекулна медицина, Катедра по Медицинска химия и биохимия, Медицински факултет, Медицински университет - София
<b>Партньорски организации</b>	Военномедицинска Академия, гр. София УМБАЛСМ "Н. И. Пирогов", гр. София
<b>Ръководител на проекта</b>	Проф. д-р Радка Петрова Кънева, дб Email: kaneva@mmcbg.org
<b>Лице за контакт</b>	Проф. д-р Радка Петрова Кънева, дб Email: kaneva@mmcbg.org
<b>Интернет страница (ако вече е създадена)</b>	www.mmcbg.org

### Кратко научнопопулярно описание на целите на проекта (до 1500 символа):

*Моля, представете съвсем кратко и на популярно ниво каква е идеята на проекта, какво се цели да бъде постигнато и какво е значението за обществото от изпълнението на проекта. Текстовете следва да са насочени към неспециализирана аудитория и медии, затова е важно да се избягват доколкото е възможно научните термини и езикът да бъде достъпен.*

Пневмонията, предизвикана от SARS-CoV-2 вируса, доведе до COVID-19 пандемия и глобална здравна криза, с огромни последици за населението на света.

Целта на настоящия проект е да спомогне за изясняване на особеностите на взаимодействието между SARS-CoV-2 и човека-гостоприемник, засягайки фундаментални въпроси като: 1) кои са генетичните фактори, определящи тежестта и хода на COVID-19 при български пациенти, и 2) какви са характеристиките на SARS-CoV-2.

Проектът ще включи пациенти, лекувани в три от най-големите болници в София

(ВМА, Пирогов и Токуда), от асимптоматични/леки до тежки случаи. Ще бъде събран биологичен материал и клинични данни за симптоматиката и лечението на пациентите. Ще бъде проведено пълно екзомно/геномно секвениране на ДНК за откриване на генетични варианти при човека и при SARS-CoV-2, което ще предостави подробна картина за вирусните мутации. Комбинираният биоинформатичен и статистически анализ ще даде ценни научни познания, специфични за българската популация, свързани с модулирането на имунния отговор към SARS-CoV-2, връзката между индивидуалните геномни характеристики на човека и вируса, и значението им за протичането на заболяването.

Резултатите ще се съпоставят с подобни изследвания в други страни и ще допринесат към глобалната инициатива на световната научна общност (Host Genetics Initiative) да генерира, анализира и споделя данни, свързани с COVID-19 инфекцията и протичането на заболяването.

Резултатите ще подпомогнат създаването на подход за идентифициране на лица с висок и нисък риск, разработване на по-добри стратегии за профилактика и лечение на COVID-19, както и ще послужат за основа на епидемиологично моделиране, прогнозиране и ограничаване на разпространението на инфекцията.

**Илюстративен материал:**

*Тук можете да поставите една или две подходящи снимки за илюстрации, свързани*

с темата на проекта

**Фигура 1. Научни организации и университетски болници участници в проекта**



**Фигура 2. Дизайн и Работна програма на проекта**

